



CAL286.DUT CAMAS RPT4\OUT 4-24-90, Lolo National Forest Soils

ID#	Al	B	Ca	Cd	Co	Cu	Fe	Hg	Mn	Hg	Ko	P	Si	Na	Ti	Zn	K+	Monthly Low TN
1A	5.1	0.4	3030	0.05	0.12	10.97	15.2	364	18.75	0.3	0.0	6.8	55.1	17.4	0.16	3.00	105	627
1B	9.5	0.1	1872	0.02	0.23	10.29	9.5	318	6.29	-0.2	0.0	0.6	35.1	19.5	0.24	5.60	25	207
1C	5.0	-0.0	1165	0.06	0.15	4.36	7.7	214	3.21	-0.1	-0.0	1.7	21.2	26.6	0.07	2.06	18	123
1D	4.6	0.0	1136	0.01	0.12	5.56	8.6	215	5.60	0.2	-0.0	1.0	24.1	22.9	0.10	2.28	22	85
1E	2.0	-0.0	412	0.03	0.04	2.25	6.1	75	2.55	0.8	-0.1	0.8	7.9	14.6	0.01	0.59	0	7
1F	3.0	-0.0	523	0.01	0.01	4.22	4.7	83	1.31	-0.1	-0.1	2.9	14.8	12.7	0.06	1.09	11	21
2A	6.7	0.2	2656	0.10	0.12	9.33	19.3	368	17.90	0.1	0.1	4.9	44.1	20.2	0.17	2.38	92	1023
2B	3.9	0.1	1392	0.05	0.06	2.72	4.8	123	10.08	-0.2	-0.1	3.5	21.7	10.4	0.12	0.63	25	144
3A	8.7	0.0	1645	-0.01	0.16	9.93	10.3	212	10.21	0.4	-0.0	0.6	34.5	22.7	0.11	2.97	42	221
4A	9.2	0.1	2687	0.11	0.14	10.10	56.9	362	12.12	0.2	0.0	7.9	39.5	20.3	0.16	3.74	82	1516
5A	5.6	0.4	2557	0.07	0.10	8.14	12.6	228	16.66	0.2	-0.1	8.6	64.7	13.9	0.16	1.78	89	855
5B	3.4	0.6	3370	0.05	0.05	9.78	17.1	241	13.70	0.8	-0.0	6.4	65.5	18.6	0.09	1.80	69	942
5C	3.4	0.1	2149	0.05	0.04	5.94	41.8	171	6.41	0.3	0.0	9.9	57.6	30.8	0.12	1.54	61	874
5D	5.0	0.1	1668	0.02	0.04	7.35	52.9	177	2.53	-0.0	0.0	17.6	44.1	22.1	0.15	1.88	58	505
5E	7.6	0.1	1298	0.01	0.05	9.53	26.3	209	1.65	-0.1	0.0	7.8	27.9	22.5	0.13	2.23	49	332
5F	9.4	0.1	2072	0.10	0.05	16.07	30.9	379	2.14	-0.2	0.0	1.6	43.0	25.8	0.15	4.20	84	500
6A	7.3	0.6	2289	0.09	0.14	8.54	21.2	408	17.79	0.4	0.1	16.9	73.9	22.3	0.18	3.38	120	1280
7A	18.8	0.2	1491	0.10	0.10	4.94	47.0	230	18.56	0.0	0.0	8.8	31.5	18.2	0.40	1.54	76	872
7B	5.5	0.3	1062	0.03	-0.02	3.59	8.8	167	4.24	-0.1	0.0	13.6	30.7	15.2	0.15	2.38	37	433
8A	8.8	0.4	2636	0.07	0.07	11.88	36.6	372	14.81	0.1	0.0	5.8	51.6	16.9	0.20	3.27	128	1200
9A	6.8	0.6	2811	0.07	0.08	12.87	35.7	435	12.57	0.2	0.1	2.9	69.6	31.1	0.18	6.03	124	1110
10A	5.7	0.5	3079	0.07	0.02	10.93	20.8	619	16.52	1.2	-0.0	4.3	83.9	38.8	0.12	2.81	127	1390
10B	3.3	0.1	5989	0.01	0.06	8.26	9.1	702	4.07	0.3	-0.1	2.5	66.2	56.7	0.10	2.03	81	617
10C	2.6	0.3	8625	0.04	0.07	10.11	8.9	1294	3.81	0.7	0.0	5.0	71.0	69.9	0.10	2.52	94	491
10D	7.2	0.3	2394	0.00	0.05	8.41	6.9	1069	3.04	0.6	-0.1	3.2	77.4	62.1	0.15	2.14	55	228
10D Dupl.	7.2	0.3	2376	0.01	0.08	8.44	6.9	1079	2.89	-0.2	-0.0	1.8	89.1	64.6	0.15	2.19	62	225
10E	7.5	-0.0	2102	0.07	0.13	8.16	10.6	902	1.85	-0.1	0.0	-0.1	93.7	203.0	0.19	2.67	84	349
10F	10.7	0.2	2105	0.02	0.12	10.77	14.7	671	3.37	0.6	-0.0	3.1	106.1	256.9	0.31	2.18	74	148
11A	7.5	0.5	2404	0.05	0.10	5.10	17.4	388	10.19	0.3	0.1	8.8	62.3	31.0	0.22	2.77	107	1231
12A	8.4	0.5	2501	0.04	0.02	8.79	23.8	586	16.65	-0.1	0.1	2.1	65.0	35.7	0.22	1.92	99	857
12B	8.2	0.4	2187	0.02	0.08	10.87	15.0	722	10.45	-0.1	0.0	0.9	67.1	52.0	0.18	2.48	95	672
13A	5.0	0.7	3291	0.05	0.05	7.53	13.3	384	9.19	0.4	-0.1	8.5	89.6	27.7	0.11	1.88	85	1063
13B	0.9	0.4	11911	0.03	-0.04	4.84	4.9	717	4.87	0.5	-0.1	4.2	56.7	36.5	0.13	1.35	45	528
14B	3.2	1.8	5002	0.02	0.00	6.99	5.8	925	3.33	0.5	-0.1	13.6	167.0	72.6	0.10	1.70	106	851
15B	3.4	1.0	11110	-0.01	-0.01	4.95	4.5	1915	3.40	0.4	-0.1	19.1	72.2	71.8	0.22	1.61	47	344
15C	2.5	0.4	12009	0.03	0.02	5.22	6.5	1306	2.17	0.2	0.0	6.3	77.2	283.7	0.23	1.69	30	273
15D	3.6	0.4	8751	0.04	0.02	5.24	13.1	606	6.68	-0.0	0.0	1.5	81.5	884.8	0.15	1.36	23	238
15E	13.3	0.6	1027	0.01	0.07	6.32	12.9	512	4.47	-0.0	-0.1	2.2	88.3	684.1	0.53	1.26	33	227
15F	7.7	0.4	536	0.01	0.09	3.15	11.2	289	3.58	-0.4	0.0	2.1	66.5	347.9	0.28	0.58	27	155
16A	2.0	1.3	6954	0.07	0.12	6.41	4.2	1325	19.52	-0.6	0.0	42.7	107.5	79.2	0.12	2.45	294	1345
16B	3.5	1.0	11465	0.02	0.05	5.72	5.4	1524	6.64	-0.1	-0.1	21.0	73.9	331.8	0.26	1.81	77	354
17A	2.6	1.1	4781	0.09	0.08	8.43	6.3	432	24.59	0.4	-0.0	52.5	86.3	12.0	0.10	3.60	263	1726
17B	8.5	0.4	3375	0.04	-0.01	5.62	22.8	340	14.57	0.3	-0.0	12.0	73.4	17.5	0.28	3.93	177	1809
18A	6.5	1.0	5077	0.07	0.13	5.09	7.8	367	10.32	0.2	-0.0	19.7	109.9	32.0	0.26	1.57	96	1665
18B	3.9	0.2	3979	0.01	0.00	7.03	7.9	578	4.69	-0.1	0.1	3.2	48.0	46.9	0.09	1.13	55	1205
19A (14A?)	1.7	0.4	5635	0.05	0.07	4.68	6.6	571	10.78	0.4	-0.0	23.7	82.9	24.8	0.05	1.71	77	1546
19A	6.9	0.7	2664	0.07	-0.02	5.18	11.7	400	11.65	0.1	-0.0	19.3	81.2	32.3	0.25	1.61	105	1344
19B	3.4	0.4	12187	0.06	0.06	5.74	5.9	974	2.67	-0.1	-0.0	4.6	61.6	88.6	0.22	1.27	44	615
20A	1.9	0.3	4358	0.02	0.06	3.69	6.2	278	11.51	0.7	0.0	9.5	48.1	11.2	0.04	0.86	44	865
20B	0.3	-0.0	11599	-0.01	-0.07	4.21	2.8	569	5.14	-0.2	-0.0	2.5	38.8	21.3	0.13	1.31	11	455
20B Again	1.1	0.2	11748	0.03	0.03	4.25	2.9	572	5.19	-0.4	-0.0	4.0	39.9	21.7	0.18	1.39	21	-
21A	30.7	0.2	1109	0.09	0.14	4.13	52.3	118	22.13	0.0	0.1	12.7	17.9	7.6	0.46	2.16	108	563
21A Dupl.	31.4	0.1	1180	0.07	0.10	3.98	52.4	122	22.34	-0.1	0.0	14.3	14.8	5.9	0.46	2.27	106	567
21B	10.7	0.1	1239	0.03	0.09	3.76	24.9	154	6.99	-0.2	0.1	3.9	33.3	11.8	0.30	0.84	76	461
22A	6.4	-0.0	1936	0.06	-0.03	3.85	16.1	232	13.29	-0.3	0.1	1.8	46.5	7.1	0.24	1.57	169	755
22B	6.5	0.3	2185	0.00	-0.02	5.33	8.7	216	7.43	-0.2	0.0	3.6	38.1	18.3	0.25	0.83	114	528
23A	8.9	0.2	1041	-0.01	0.02	3.28	13.6	123	6.41	-0.1	-0.0	6.4	41.1	5.6	0.37	0.62	100	567

18B	3.9	0.2	3979	0.01	0.00	7.03	7.9	578	4.69	-0.1	0.1	3.2	48.0	46.9	0.09	1.13	55	1205
19A (14A?)	1.7	0.4	5635	0.05	0.07	4.68	6.6	571	10.78	0.4	-0.0	23.7	82.9	24.8	0.05	1.71	77	1546
19A	6.9	0.7	2664	0.07	-0.02	5.18	11.7	400	11.65	0.1	-0.0	19.3	81.2	32.3	0.25	1.61	105	1344
19B	3.4	0.4	12187	0.06	0.06	5.74	5.9	974	2.67	-0.1	-0.0	4.6	61.6	88.6	0.22	1.27	44	615
20A	1.9	0.3	4358	0.02	0.06	3.69	6.2	278	11.51	0.7	0.0	9.5	48.1	11.2	0.04	0.86	44	865
20B	0.3	-0.0	11589	-0.01	-0.07	4.21	2.8	569	5.14	-0.2	-0.0	2.5	38.8	21.3	0.13	1.31	11	455
20B Again	1.1	0.2	11748	0.03	0.03	4.25	2.9	572	5.19	-0.4	-0.0	4.0	39.9	21.7	0.18	1.39	21	-
21A	30.7	0.2	1109	0.09	0.14	4.13	52.3	118	22.13	0.0	0.1	12.7	17.9	7.6	0.46	2.16	108	563
21A Dupl.	31.4	0.1	1180	0.07	0.10	3.98	52.4	122	22.34	-0.1	0.0	14.3	14.8	5.9	0.46	2.27	106	567
21B	10.7	0.1	1239	0.03	0.09	3.76	24.9	154	6.99	-0.2	0.1	3.9	33.3	11.8	0.30	0.84	76	461
22A	6.4	-0.0	1936	0.06	-0.03	3.85	16.1	232	13.29	-0.3	0.1	1.8	46.5	7.1	0.24	1.57	169	755
22B	6.5	0.3	2185	0.00	-0.02	5.33	8.7	216	7.43	-0.2	0.0	3.6	38.1	18.3	0.25	0.83	114	528
23A	8.9	0.2	1041	-0.01	0.02	3.28	13.6	123	6.41	-0.1	-0.0	6.4	41.1	5.6	0.37	0.62	100	567
23B	3.1	-0.0	1110	-0.01	-0.03	3.61	6.5	130	6.65	0.3	-0.0	4.1	19.3	6.3	0.15	0.49	63	455
23C-1	1.8	0.1	10266	0.04	0.03	1.47	4.3	753	4.68	-0.0	-0.0	1.8	42.3	45.4	0.18	0.29	18	234
23C-2	4.4	-0.1	2689	0.02	-0.01	2.79	5.7	136	4.35	0.5	-0.1	8.4	29.1	15.4	0.16	0.40	51	239
23D	4.8	0.1	7055	0.02	-0.01	1.86	5.5	176	4.16	-0.1	-0.0	5.6	30.2	16.5	0.22	0.23	35	111
23E	0.7	-0.0	9067	0.04	0.02	2.59	7.2	1123	12.15	0.5	0.1	3.0	39.9	36.9	0.07	0.67	-2	104
24A	0.1	0.6	11502	0.05	0.03	4.95	4.8	1907	6.25	1.0	-0.1	1.8	27.4	74.9	0.09	1.25	2	374
24A Again	1.3	0.7	11931	0.04	0.06	5.00	4.9	1929	6.43	0.7	0.0	2.9	28.6	75.5	0.13	1.37	13	-
24B	2.0	0.4	11953	0.02	0.01	3.50	7.0	1336	3.20	-0.2	-0.0	-1.0	38.8	113.0	0.16	0.69	20	276
25A	3.4	0.7	3714	0.02	0.06	6.92	5.9	988	3.29	0.4	-0.0	3.0	64.2	43.5	0.07	1.27	66	1058
25A Again	3.9	0.6	3854	0.06	0.06	6.93	6.1	996	3.40	0.5	-0.0	4.9	66.3	43.2	0.10	1.31	78	-
25B	2.1	0.3	11978	-0.00	0.08	4.75	2.7	1586	0.78	0.2	0.0	2.9	87.4	64.1	0.19	1.36	56	365
26A	4.7	1.1	3357	0.07	0.02	5.37	8.5	508	10.93	0.3	-0.0	19.8	86.1	22.9	0.20	2.22	221	1491
26B	2.8	0.9	3959	0.02	0.01	6.55	5.4	851	5.60	0.1	0.1	43.2	101.4	75.8	0.08	1.25	166	874
27A	4.2	1.1	3186	0.06	0.05	4.89	4.7	553	12.14	0.4	0.1	17.5	80.9	35.1	0.17	1.12	170	1215
27B	2.5	0.8	10766	0.06	0.11	3.68	5.2	1676	3.23	0.2	0.1	12.2	100.1	89.6	0.17	0.78	128	405
27C	1.7	0.5	8449	0.07	0.07	3.29	3.9	1404	5.89	0.3	-0.0	8.4	68.8	296.7	0.09	0.72	64	624
27D	4.4	0.1	6764	0.02	0.06	3.07	7.9	775	5.64	0.1	-0.1	1.2	45.8	400.4	0.13	0.60	14	186
27E	5.5	-0.0	5508	-0.01	0.03	4.16	17.6	521	11.21	1.1	0.0	2.4	53.1	433.6	0.13	0.80	-0	130
27E Rep	5.3	-0.0	5514	0.05	0.05	4.16	17.5	514	11.21	0.6	0.0	2.1	52.3	432.1	0.11	0.82	-3	-
27F	6.6	-0.1	2506	0.04	0.06	4.24	10.6	416	6.64	0.7	0.0	7.4	49.0	276.1	0.24	0.86	10	102
28A	9.5	0.3	3062	0.09	0.04	8.96	25.9	529	17.90	0.1	0.0	17.1	73.5	12.4	0.30	3.60	279	1119
28B	8.6	0.3	3271	0.05	0.13	10.13	13.0	703	5.75	-0.5	0.0	6.1	60.9	20.7	0.31	2.75	160	489
29A	6.3	0.7	2879	0.06	0.05	6.79	11.6	700	9.74	0.1	0.0	19.5	104.6	60.2	0.25	1.64	139	778
29B	1.1	0.3	11519	0.04	0.08	6.30	3.4	1795	5.71	0.3	0.1	23.1	94.1	176.3	0.13	1.64	52	412
30A	7.7	0.3	2646	0.07	0.13	12.46	15.9	836	9.52	0.1	0.0	2.5	64.1	56.9	0.23	3.34	113	652
30B	1.6	0.2	13065	0.04	0.12	7.72	7.2	1154	5.71	0.1	0.1	1.3	36.3	96.7	0.15	1.75	34	546
31A	6.6	0.1	1899	0.04	0.07	5.01	11.9	216	10.02	0.2	0.1	17.0	28.5	9.2	0.22	1.34	60	645
31B	2.0	0.1	12644	-0.00	0.04	2.68	5.8	318	5.01	0.3	-0.0	24.0	6.8	19.5	0.14	0.90	4	381
32A	10.6	0.4	2839	0.07	0.12	7.44	36.6	559	10.68	-0.2	0.0	3.8	51.0	30.9	0.33	1.97	151	1250
32B	8.3	-0.0	3074	-0.05	-0.02	7.42	16.7	668	5.34	0.1	-0.0	0.9	28.9	40.4	0.14	1.65	76	755
33A	7.0	0.4	2982	-0.01	0.09	7.32	12.2	1032	9.28	-0.2	0.0	2.2	85.4	38.8	0.24	1.54	139	853
33B	1.7	0.1	12761	0.03	0.10	4.67	3.8	1116	11.21	0.1	0.0	0.7	48.3	47.2	0.17	1.61	37	340
34A	1.4	0.4	13110	0.04	0.08	4.94	5.5	844	17.97	0.2	-0.1	7.2	34.0	36.1	0.16	1.36	59	771
34B	4.2	0.3	12608	0.07	0.08	5.24	7.3	764	5.58	-0.4	0.1	2.0	32.6	50.7	0.23	1.51	36	473
35A	6.9	0.5	4075	0.07	0.15	6.31	12.7	540	12.21	0.1	0.1	4.8	87.1	26.9	0.20	1.63	113	1107
35B	1.3	0.5	13351	-0.04	0.08	5.88	6.5	1373	11.74	0.1	-0.1	-0.9	23.0	38.1	0.16	1.60	26	482
36A	4.1	0.1	8912	0.03	0.03	2.00	3.3	361	6.10	-0.1	0.1	3.5	13.6	24.0	0.14	1.10	33	388
36B	5.2	0.1	2306	0.01	0.04	1.92	5.2	174	5.10	-0.0	0.0	9.0	13.3	21.6	0.15	0.68	32	178
37A	3.0	0.7	12964	0.07	0.07	2.93	4.1	528	5.43	0.2	-0.0	6.5	49.7	29.1	0.25	1.31	142	1011
37B	4.1	0.7	13182	0.04	0.05	4.18	7.7	650	2.76	0.3	-0.0	2.0	47.7	38.5	0.30	1.76	90	543
38A	10.0	0.3	1781	0.03	0.06	4.53	16.6	215	10.92	-0.2	-0.0	3.2	47.8	12.3	0.40	1.31	114	883
38B	9.6	0.5	8707	0.06	0.09	4.84	7.7	405	5.74	0.3	0.0	5.8	64.3	35.3	0.27	1.61	62	554
39A	7.0	0.4	1898	0.03	0.03	3.50	8.4	249	8.08	0.2	0.0	3.4	40.6	13.9	0.27	0.69	77	750
39B	5.9	0.3	12046	0.01	0.08	2.98	7.6	345	3.30	0.2	0.0	4.7	33.6	23.7	0.26	1.04	26	630
40A	18.4	0.1	1622	0.07	0.09	3.61	34.2	259	33.59	-0.3	-0.1	6.7	34.5	14.3	0.48	1.80	244	1091
40B	2.5	1.2	12809	0.05	0.10	4.07	4.0	852	3.82	0.1	0.1	21.2	62.7	52.5	0.20	1.57	110	784
40B Dupl.	1.5	1.1	13052	0.05	0.08	4.24	3.9	862	4.04	0.0	-0.0	19.0	61.8	58.8	0.16	1.52	107	-
41A	5.9	0.7	2546	0.03	0.00	3.27	5.6	295	8.39	0.0	0.1	7.2	65.2	26.8	0.24	0.70	161	948

35B	1.3	0.5	13351	-0.04	0.08	5.88	6.5	1373	11.74	0.1	-0.1	-0.9	23.0	38.1	0.16	1.60	26	482
36A	4.1	0.1	8912	0.03	0.03	2.00	3.3	361	6.10	-0.1	0.1	3.5	13.6	24.0	0.14	1.10	33	388
36B	5.2	0.1	2306	0.01	0.04	1.92	5.2	174	5.10	-0.0	0.0	9.0	13.3	21.6	0.15	0.68	32	178
37A	3.0	0.7	12964	0.07	0.07	2.93	4.1	528	5.43	0.2	-0.0	6.5	49.7	29.1	0.25	1.31	142	1011
37B	4.1	0.7	13182	0.04	0.05	4.18	7.7	650	2.76	0.3	-0.0	2.0	47.7	38.5	0.30	1.76	90	543
38A	10.0	0.3	1781	0.03	0.06	4.53	16.6	215	10.92	-0.2	-0.0	3.2	47.8	12.3	0.40	1.31	114	883
38B	9.6	0.5	8707	0.06	0.09	4.84	7.7	405	5.74	0.3	0.0	5.8	64.3	35.3	0.27	1.61	62	554
39A	7.0	0.4	1898	0.03	0.03	3.50	8.4	249	8.08	0.2	0.0	3.4	40.6	13.9	0.27	0.69	77	750
39B	5.9	0.3	12046	0.01	0.08	2.98	7.6	345	3.30	0.2	0.0	4.7	33.6	23.7	0.26	1.04	26	530
40A	18.4	0.1	1622	0.07	0.09	3.61	34.2	259	33.59	-0.3	-0.1	6.7	34.5	14.3	0.48	1.80	244	1091
40B	2.5	1.2	12809	0.05	0.10	4.07	4.0	852	3.82	0.1	0.1	21.2	62.7	52.5	0.20	1.57	110	784
40B Dupl.	1.5	1.1	13052	0.05	0.08	4.24	3.9	862	4.04	0.0	-0.0	19.0	61.8	58.8	0.16	1.52	107	-
41A	5.9	0.7	2546	0.03	0.00	3.27	5.6	295	8.39	0.0	0.1	7.2	65.2	26.8	0.24	0.70	161	948
41B	1.8	0.6	12540	0.06	0.09	4.73	3.9	1449	7.70	0.3	0.1	27.9	67.3	51.9	0.18	1.55	85	489
42A	20.6	0.0	1087	0.09	0.13	4.55	43.3	174	17.26	0.0	0.1	9.8	24.5	5.1	0.46	1.63	74	661
42B	7.4	0.1	958	0.02	0.05	3.79	10.3	196	3.57	0.2	0.1	4.7	30.1	6.6	0.24	0.57	47	409
43A	14.4	0.1	1177	0.06	0.08	3.27	36.8	154	12.72	-0.2	0.1	5.5	33.1	6.0	0.44	1.21	103	757
43B	10.2	0.2	1362	0.02	0.06	6.58	13.2	318	3.96	0.2	0.1	2.0	39.7	16.7	0.35	1.49	64	616
44A	6.5	0.4	1842	0.07	0.02	4.00	8.2	259	10.76	0.1	0.1	2.9	59.5	13.6	0.23	0.98	76	790
44B	0.0	0.8	13251	0.02	0.12	4.08	4.1	1256	7.91	0.2	-0.0	1.0	43.9	48.9	0.17	1.03	31	644
44B Dupl.	1.3	0.6	11546	0.02	0.08	3.84	4.4	1125	7.26	-0.1	0.0	3.0	31.1	35.2	0.19	1.26	56	643
45A	8.8	0.2	2094	0.04	0.05	4.06	33.0	269	22.23	0.8	-0.1	7.6	46.6	20.3	0.26	1.40	77	994
45B	2.9	0.3	12149	0.02	0.04	3.58	4.0	377	3.43	0.2	0.1	3.4	34.6	21.5	0.19	1.24	29	496
46A	27.5	0.1	1457	0.05	0.11	5.27	68.0	215	32.36	0.4	0.2	10.7	32.0	8.2	0.53	2.55	151	1126
46B	7.7	0.2	1752	0.06	0.09	5.89	15.1	362	10.38	0.2	-0.0	3.1	51.4	26.7	0.20	0.93	63	637
47A	31.1	0.1	1372	0.07	0.08	3.10	97.9	137	40.16	0.3	0.2	40.9	55.8	-1.0	0.84	3.83	312	1760
47B	10.3	0.1	1151	0.03	0.02	2.51	31.7	193	4.81	0.3	0.1	13.5	29.4	1.4	0.25	1.03	123	633
48A	8.6	0.1	2813	0.03	0.10	7.67	39.6	472	16.28	-0.1	-0.1	4.8	62.2	39.5	0.28	2.05	114	1298
48B	8.1	0.1	2509	0.03	0.12	15.53	20.9	516	11.40	1.0	-0.1	2.1	55.5	41.1	0.25	4.72	103	559
49A	2.9	0.1	8751	0.03	0.04	6.91	5.5	684	8.46	0.2	-0.0	15.4	77.7	28.4	0.15	2.08	63	613
49B	2.5	0.1	10633	0.07	0.02	5.22	4.4	1078	8.76	0.5	0.0	11.7	86.3	41.1	0.14	1.34	58	687
50A	13.0	0.2	2760	0.07	0.10	6.34	47.5	468	22.80	0.4	0.1	19.2	66.0	29.3	0.43	2.48	151	1663
50B	3.7	0.4	4987	0.01	0.08	4.27	6.6	626	3.39	0.4	0.1	8.6	63.2	31.1	0.14	0.87	116	743
51A	12.6	0.1	2447	0.05	0.06	8.73	49.2	426	9.67	-0.1	0.1	-0.2	37.5	20.0	0.40	3.25	111	1287
51B	7.7	-0.1	2245	-0.01	0.11	6.51	16.4	561	3.48	0.4	-0.1	0.8	48.9	40.7	0.14	1.78	95	473
52A	21.9	0.1	1606	0.06	0.15	4.93	63.4	288	26.14	0.4	0.0	9.4	32.1	21.7	0.44	2.34	112	1077
52B	13.1	0.1	1898	0.01	0.12	7.52	36.0	412	6.46	0.8	0.1	3.4	37.5	37.3	0.22	2.00	94	636
53A	11.9	0.1	1514	0.05	0.03	5.41	39.2	294	11.53	0.3	0.0	6.3	51.8	25.1	0.37	1.90	83	585
53B	3.6	0.4	12253	0.03	0.08	10.39	8.1	858	6.68	0.7	0.1	2.5	35.2	43.0	0.19	3.51	54	658
54A	16.9	0.1	1969	0.05	0.06	6.55	55.0	306	17.29	0.3	0.0	11.5	38.5	19.8	0.40	3.21	113	1067
54B	9.9	0.1	1828	0.04	0.09	7.10	27.3	467	8.96	0.9	0.0	2.5	45.8	39.8	0.16	1.91	71	494
55A	16.2	0.1	1742	0.09	0.08	5.92	56.6	321	16.30	0.3	0.1	10.3	40.9	11.5	0.40	2.41	137	1102
55B	9.1	0.3	1638	0.04	0.01	7.04	16.6	567	11.58	0.6	0.0	4.4	61.9	25.4	0.37	1.46	102	633
56A	22.3	0.2	2597	0.07	0.22	13.19	160.9	379	28.61	0.3	-0.0	8.7	56.3	41.8	0.77	7.15	97	2848
56B	27.8	0.1	2159	0.06	0.20	9.83	245.4	369	16.42	0.7	-0.0	4.0	57.7	71.9	1.28	5.17	52	2269
57A	36.1	0.1	2130	0.13	0.38	8.01	269.8	364	21.56	0.0	0.1	7.0	42.8	32.8	0.94	5.07	81	3217
57B	19.6	0.0	1151	0.02	0.11	5.23	149.9	274	1.39	0.3	0.2	0.9	27.7	29.2	0.78	1.60	39	1064
57C	18.8	-0.0	1105	0.01	0.17	6.27	121.7	312	1.08	-0.3	0.0	0.4	25.9	36.5	0.67	1.69	36	757
57D	18.7	0.0	946	0.03	0.21	5.51	149.6	309	2.02	0.2	0.1	2.1	33.5	47.9	0.87	1.69	39	1037
58A	19.8	0.1	2757	0.07	0.05	7.20	127.1	395	12.16	0.1	0.1	7.9	60.5	34.7	0.72	4.71	79	2590
58B	14.8	0.0	1077	0.03	0.03	4.40	108.3	205	8.81	0.8	0.0	2.6	41.6	26.9	0.59	1.50	20	675
59A	24.7	0.0	2272	0.11	0.21	9.06	196.5	369	19.20	0.0	-0.0	7.5	58.5	35.0	0.77	4.23	57	2283
59B	18.4	0.0	1441	0.03	0.14	16.25	190.4	391	1.75	0.6	0.1	2.2	56.2	36.2	0.85	5.87	42	1032
60A	9.7	0.1	1522	0.05	-0.04	5.42	25.4	216	8.84	0.2	-0.0	5.0	38.1	8.6	0.30	1.75	55	834
60B	5.2	0.1	1036	0.04	0.02	4.11	14.2	158	7.56	0.2	0.1	6.3	53.4	16.8	0.17	0.79	32	413
67B	7.8	0.5	2062	0.10	0.03	5.94	18.8	450	9.56	0.2	-0.0	7.7	65.3	26.7	0.24	1.13	86	825
L.O.D. ±	0.6	0.1	0.3	0.06	0.09	0.08	0.2	0.6	0.01	0.6	0.2	1	0.2	0.5	0.04	0.07	5	7

L.O.D. = Limits Of Detection. Concentrations in ppm (µg/g).